

Descubren una nueva variante genética asociada con el riesgo de diabetes tipo 1

Este estudio es el primero que apoya la hipótesis de la etiología viral de la enfermedad

Redacción, Madrid.- Científicos del Instituto Cambridge de Investigación Médica en Cambridge (Reino Unido) han descubierto una nueva variante genética asociada con el riesgo de diabetes tipo 1. El gen, IFIH1, codifica una proteína que participa en la respuesta inmune ante las infecciones virales.

Este es uno de los pocos genes que se saben están asociados con el riesgo de diabetes tipo 1 que ha sido validado en una gran cantidad de individuos de más de una población.

La diabetes tipo 1 se produce cuando el sistema inmune del propio cuerpo ataca a las células productoras de insulina del páncreas.

Los científicos muestran que una variante relativamente común del IFIH1 está asociada con la susceptibilidad a la enfermedad en una gran muestra de individuos de la población general, además de en familias afectadas por la enfermedad en varios países.

Esta es la primera prueba genética en humanos que apoya la idea de que una de las causas de la enfermedad podría suponer una respuesta aberrante a un virus.